Figure 1

SEQ ID NO:1

- 1 MRTIAILAAI LLVALQAQAE SLQERADEAT TQKQSGEDNQ DLAISFAGNG LSALRTSGSQ
- 61 ARATCYCRTG RCATRESLSG VCEISGRLYR LCCR

SEQ ID NO:2

- 1 ESLQERADEA TTQKQSGEDN QDLAISFAGN GLSALRTSGS QARATCYCRT GRCATRESLS
- 61 GVCEISGRLY RLCCR

SEQ ID NO:3

QSGEDN QDLAISFAGN GLSALR

SEQ ID NO:4

ESLSG VCEISGR

Figure 2

SEQ ID NO:5

- 1 MGIOGGSVLF GLLLVLAVFC HSGHSLQCYN CPNPTADCKT AVNCSSDFDA CLITKAGLQV
- 61 YNKCWKFEHC NFNDVTTRLR ENELTYYCCK KDLCNFNEQL ENGGTSLSEK TVLLLVTPFL
- 121 AAAWSLHP

SEQ ID NO:6

- 1 LOCYNCPNPT ADCKTAVNCS SDFDACLITK AGLQVYNKCW KFEHCNFNDV TTRLRENELT
- 61 YYCCKKDLCN FNEQL EN

SEQ ID NO:7

LQCYNCPNPT ADCK

SEQ ID NO:8

TAVNCSSDFD ACLITK

SEQ ID NO:9

AGLQVYNK

SEQ ID NO:10

FEHCNFNDVT TR

SEQ ID NO:11

LRENELTYYC CK

SEQ ID NO:12

ENELTYYC CK

Figure 3

SEQ ID NO:13

- 1 MAVKKIAIFG ATGQTGLTTL AQAVQAGYEV TVLVRDSSRL PSEGPRPAHV VVGDVLQAAD
- 61 VDKTVAGQDA VIVLLGTRND LSPTTVMSEG ARNIVAAMKA HGVDKVVACT SAFLLWDPTK
- 121 VPPRIQAVTD DHIRMHKVLR ESGLKYVAVM PPHIGDOPLT GAYTVTLDGR GPSRVISKHD
- 181 LGHFMLRCLT TDEYDGHSTY PSHQYQ

SEQ ID NO:14

TVAGQDAVIV LLGTR

SEQ ID NO:15

NDLSPTTVMS EGAR

SEQ ID NO:16

LQAVTDDHIR

SEQ ID NO:17

YVAVMPPHIG DQPLTGAYTV TLDGR

SEQ ID NO:18

HDLGHFMLR

SEQ ID NO:19

CLTTDEYDGH STYPSHQYQ

Figure 4

SEQ ID NO:20

- 1 MSLLGPKVLL FLAAFIITSD WIPLGVNSQR GDDVTQATPE TFTEDPNLVN DPATDETVLA
- 61 VLADIAPSTD DLASLSEKNT TAECWDEKFT CTRLYSVHRP VKQCIHQLCF TSLRRMYIVN
- 121 KEICSRLVCK EHEAMKDELC ROMAGLPPRR LRRSNYFRLP PCENVDLQRP NGL

SEQ ID NO:21

- 1 IPLGVNSQRG DDVTQATPET FTEDPNLVND PATDETVLAV LADIAPSTDD LASLSEKNTT
- 61 AECWDEKFTC TRLYSVHRPV KQCIHQLCFT SLRRMYIVNK EICSRLVCKE HEAMKDELCR
- 121 QMAGLPPRRL RRSNYFRLPP CENVDLQRPN GL

SEQ ID NO:22

LYSVHRPVK

SEQ ID NO:23

QCIHQLCFTS LR

SEQ ID NO:24

SNYFRLPPCE NVDLQRPNGL

SEQ ID NO:25

LPPCENVDLQ RPNGL